

# Curriculum Vitae

## Daide Gentilini

### Informazioni Personali:

**Daide Gentilini**

Nato a Cantù 30 aprile 1978

Residente in via Cavour 50 Lentate sul Seveso, 20823 (MB)

Tel: 3391102134

Mail:*davide.gentilini@unipv.it*

Mail:*gentilini.davide@gmail.com*

Website:<https://www.glabstat.com/>

## Istruzione e Formazione:

- **2018 - 2024 Abilitazione Professore II Fascia Statistica Medica settore MED/01** Ministero dell' Istruzione Universitaria e Ricerca MIUR
- **2017 - 2023 Abilitazione Professore II Fascia Genetica Medica settore MED/03** Ministero dell' Istruzione Universitaria e Ricerca MIUR
- Nel **2015** conseguo il titolo di **PhD** in Psicologia e Scienze Statistiche e Sanitarie (Psychology, Health and Statistical Sciences) per il curriculum Statistica Medica ed Epidemiologia clinica dell'università di Pavia con una tesi dal titolo "Analisi del metiloma su scala genomica identifica differenze epigenetiche tra bambini concepiti mediante procreazione medicalmente assistita e concepiti naturalmente".
- Nel **2012** conseguo il **diploma di Master II Livello in Statistica Medica e Genomica** presso Università degli Studi di Pavia con una tesi dal titolo "Fattori di rischio genetici per l'obesità severa" e continuo la mia formazione nell'ambito della statistica medica come studente della scuola di dottorato in Psychology, Health and Statistical Sciences presso Università degli Studi di Pavia. In questo periodo, affronto prevalentemente il tema relativo ai metodi di analisi nell'ambito degli studi di epidemiologia genetica ed epigenetica e tra i progetti seguiti, quello di maggior rilevanza riguarda lo sviluppo un modello di analisi statistica centrato sull' identificazione della variabilità epigenetica stocastica.
- Nel **2010** conseguo il **Diploma di Specialità in Genetica Medica** presso la facoltà di Medicina e Chirurgia Università degli Studi di Milano presentando una tesi dal titolo "Epigenetica ed Invecchiamento Applicazioni "Whole Genome" nello studio dei rapporti tra Epigenetica e Longevità" tra i primi lavori ad affrontare il tema degli studi di associazione in ambito epigenetico con approccio Genome Wide. Sempre in quell'anno, presso l'Università di Pavia inizia il mio percorso di approfondimento delle tematiche relative all'analisi dei dati nell'ambito della statistica medica e genomica presso il Master Universitario di II livello in Epidemiologia Genetica e Molecolare.
- Nel **2007** ottengo l'**Abilitazione Professionale** come Biologo e inizia il mio percorso di formazione in Genetica Medica presso la facoltà di Medicina e Chirurgia Università degli Studi di Milano. In questi anni l'interesse è rivolto prevalentemente verso gli studi di Epidemiologia Genetica nell'ambito di malattie complesse come endometriosi, ipertensione, obesità ed invecchiamento.
- Nel **2004** conseguo **Laurea in Scienze Biologiche** presso l'Università degli Studi di Milano con una tesi dal titolo "Effetto anti-migratorio della somatostatina in cellule tumorali umane"

## Attuale attività Professionale

- Ricercatore universitario RTDA presso Dip. L.240/2010 SCIENZE DEL SISTEMA NERVOSO E DEL COMPORTAMENTO Università degli Studi di PAVIA - Corso Strada Nuova, 65 - PAVIA
- Responsabile dell'Unità di Statistica Genetica e Bioinformatica presso Istituto

## Esperienze Professionali

Dal 01/12/2017 ad oggi **Ricercatore universitario a t.d.** presso Dip. L.240/2010 SCIENZE DEL SISTEMA NERVOSO E DEL COMPORTAMENTO Università degli Studi di PAVIA - Corso Strada Nuova, 65 – PAVIA

Dal 15/11/2016 ad oggi **Responsabile dell'unità di Statistica Genetica e Bioinformatica** presso L'Istituto Auxologico Italiano. Tale ruolo prevede il compito di supervisionare i progetti di ricerca relativi all'epidemiologia genetica e genomica condotti da gruppi di ricerca interni ed esterni all'Istituto Auxologico Italiano, entrando nel merito del disegno dello studio, della gestione e dell'analisi dei dati. I temi principali sono l'epidemiologia genetica e l'epigenetica. La convenzione prevede anche compiti legati alla parte sanitaria ed in particolar modo dell'analisi bioinformatica dei dati di diagnostica molecolare

Dal 11/01/2016 al 31/12/2016 **Consulente Biostatistico e Bioinformatico** per la Società COGENTECH Consortium for GENomic TECHnologies. L'attività di consulenza è rivolta all'analisi statistica e gestione di dati.

Dal 02/09/2006 al 31/11/2017 **Ricercatore e Genetista** Presso Istituto Auxologico Italiano. L'attività di ricerca svolta presso l'Istituto Auxologico Italiano ha riguardato prevalentemente il campo delle analisi dei dati Genomici e l'epidemiologia genetica ed epigenetica. In particolar modo l'interesse è rivolto all'ambito epigenetico dove in particolar modo ho sviluppato un approccio di analisi innovativo che studia l'impatto delle alterazioni epigenetiche stocastiche sul fenotipo. L'interesse è orientato verso i metodi di analisi statistica dei dati l'esperienza di questi anni ha toccato svariati ambiti di interesse medico: obesità, ipertensione, patologie ginecologiche, invecchiamento ecc.

Dal 01/09/2005 al 01/09/2006 **Vincitore di Assegno di Ricerca** presso Clinica Mangiagalli, - fondazione IRCCS CA'GRANDA Ospedale Maggiore Policlinico, Milano. L'attività di ricerca è stata prevalentemente rivolta verso studi di epidemiologia genetica nell'ambito di patologie ginecologiche e studi di biologia cellulare.

### Interessi ed attività di ricerca

Laureato in Scienze Biologiche ho completato la mia formazione con una specialità in Genetica Medica presso l'Università degli Studi di Milano, ho poi conseguito un master di secondo livello in Statistica Medica e Genomica ed infine ho concluso il mio percorso di studi con un dottorato in Psicologia e Scienze Statistiche e Sanitarie (Psychology, Health and Statistical Sciences) per il curriculum Statistica Medica ed Epidemiologia clinica presso l'Università di Pavia.

Da diversi anni la mia attività scientifica è rivolta prevalentemente verso la Statistica Medica ed in particolar modo verso le applicazioni in ambito genetico e genomico. Le aree di interesse riguardano prevalentemente i metodi di studio nell'ambito delle malattie multifattoriali e complesse. Ho acquisito una buona esperienza nel campo degli studi di associazione caso controllo sia a livello di geni candidati sia a livello

genome-wide e applicando le mie conoscenze in ambiti differenti della medicina (ginecologia, obesità, ipertensione, sclerosi laterale amiotrofica, sclerosi multipla, invecchiamento ecc) e pubblicando le ricerche su riviste di discreto livello editoriale (Nature Genetics, European Heart Journal, Aging Cell, Gut). Ho ottenuto una buona e documentata esperienza anche nell'ambito dell'epidemiologia epigenetica. Tra i primi a pubblicare in Italia in questo settore ho altresì sviluppato un metodo di analisi innovativo che consente di identificare mutazioni epigenetiche rare e stocastiche e che permette di identificare alterazioni epigenetiche responsabili di patologie a livello di singolo campione. Attualmente il mio interesse è rivolto verso l'analisi dei dati ottenuti da tecnologie di sequenziamento di nuova generazione (NGS). A tale scopo ho affinato le mie conoscenze nell'ambito della bioinformatica e dei metodi di elaborazione di "big data" creando degli strumenti di analisi e di controllo degli errori utilizzati anche in campo diagnostico. Nell'ambito della ricerca l'interesse è rivolto allo studio della variabilità genetica rara e al suo ruolo nel determinare il fenotipo. L'intento principale è quello di studiare la correlazione genotipo-fenotipo impiegando modelli di analisi che considerino la variabilità genetica nel suo complesso e non solo valutando i polimorfismi genici come avviene negli studi di associazione Genome Wide. Lo studio della causalità e l'inferenza causale rappresenta un'altra delle aree di interesse a cui mi sono avvicinato recentemente ed in particolar modo all'impiego della randomizzazione mendeliana come strumento di indagine. In ambito didattico mi sono impegnato nell'organizzazione di numerosi corsi di formazione focalizzata sull'analisi dei dati sperimentali in ambito clinico e di ricerca. Ho altresì prodotto alcuni strumenti informatici a tale scopo.

Sono ideatore e amministratore di una piattaforma web (<https://www.glabstat.com>) dove ho sviluppato numerose applicazioni per analisi statistica e grafica dei dati rendendole disponibili in modo gratuito alla comunità scientifica. La piattaforma consente di accedere a contenuti didattici sempre nell'ambito della statistica medica e genomica ed è utilizzata mensilmente da alcune migliaia di utenti provenienti da numerosi paesi in tutto il mondo.

### **Partecipazione al collegio dei docenti ovvero attribuzione di incarichi di insegnamento**

#### **Attività didattica principale:**

- **AA 2019 2020 Membro collegio docenti del Dottorato** dal titolo PSYCHOLOGY, NEUROSCIENCE AND DATA SCIENCE (ciclo XXXV) CICLO XXXV
- **AA 2019 2020 Titolare del corso di Laboratorio di statistica** per il corso di laurea in Scienze Biologiche Università degli Studi di Pavia
- **AA 2018 2019 Titolare del corso di Laboratorio di statistica** per il corso di laurea in Scienze Biologiche Università degli Studi di Pavia
- **AA 2017 2018 Titolare del corso di Metodologia Medico Scientifica 2** per il corso di laurea in MEDICINA E CHIRURGIA Università degli Studi di Pavia
- **AA 2017 2018 Titolare del corso di Laboratorio di statistica** per il corso di laurea in Scienze Biologiche Università degli Studi di Pavia
- **Da 2015 ad oggi Membro del corpo docenti** del master universitario biennale di II livello in "Statistica medica e genomica"
- **15/04/2016 17/05/2016 Professore a Contratto** del corso di Informatica per la scuola di specializzazione in Genetica Medica presso Università degli studi di

Milano. Il corso ha affrontato le tematiche dell'analisi di big data .

- **AA 2015 2016 Professore a Contratto** per “Analisi statistica di dati sperimentali odontoiatria e protesi dentaria” presso il dipartimento di scienze clinico-chirurgiche, diagnostiche e pediatriche dell'Università di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi dei dati utilizzando R
- **AA 2014 2015 Professore a Contratto** per “Analisi statistica di dati sperimentali odontoiatria e protesi dentaria” presso il dipartimento di scienze clinico-chirurgiche, diagnostiche e pediatriche dell'Università di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi dei dati utilizzando R

#### **Corsi ed attività didattiche per Dottorato:**

- **08/07/2019 12/07/2019 Titolare** corso “SummeR School-DATA Mining and Data Analysis with R” presso Università degli Studi di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi dei dati utilizzando R
- **17/06/2019 21/06/2019 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di ” Genetic Epidemiology”
- **08/04/2019 12/04/2019 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di ” Bioinformatica”
- **04/02/2019 08/02/2019 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di ” Statistica Genetica”
- **25/01/2019 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca Biotecnologie dell'anno 2018-2019 . corso di ” Beyond the genetic code: Genome-wide analysis of DNA methylation in complex traits”
- **24/09/2018 28/09/2018 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di ” Genetic Epidemiology”
- **04/06/2018 08/06/2018 Titolare** corso “SummeR School-DATA Mining and Data Analysis with R” presso Università degli Studi di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi dei dati utilizzando R
- **18/03/2018 23/03/2018 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di ” Bioinformatica”
- **26/06/2017 30/06/2017 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di ”Genetic Epidemiology of complex diseases” e “Linkage Disequilibrium”
- **19/06/2017 23/06/2017 Docente** per corso “SummeR School-DATA Mining and Data Analysis with R” presso Università degli Studi di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi dei dati utilizzando R
- **04/07/2016 08/07/2016 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di

ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. corso di "Genetic Epidemiology of complex diseases" e "Linkage Disequilibrium"

- **14/03/2016 18/03/2016 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. "Corso di Bioinformatica applicata alla genetica"
- **26/01/2016 26/01/2016** Seminari congiunti "Next-generation sequencing in diagnostica" HUGEF - DOTTORATO DI SCIENZE BIOMEDICHE E ONCOLOGIA, CURRICULUM DI GENETICA UMANA
- **29/06/2015 03/07/2015 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. "Corso di Epidemiologia Genetica"
- **23/03/2015 25/03/2015 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. "Corso di Bioinformatica Analisi di dati NGS"
- **25/05/2014 29/05/2014 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. "corso in Statistica Genetica e genomica"
- **14/03/2014 18/03/2014 Docente** nell'ambito dei corsi rivolti ai dottorati di ricerca in Psicologia, Neuroscienze e Statistica Medica, curriculum Statistica medica ed Epidemiologia clinica, dell'Università di Pavia. "Corso di Epidemiologia Genetica"

#### **Corsi ed attività didattiche integrative aperte al pubblico:**

- Dal **23/09/2015 ad oggi Organizzatore e Unico Docente** di 12 edizioni del corso di alta formazione per analisi dati ottenuti tramite Next Generation Sequencing titolo "Analisi di dati NGS ed applicazioni in ambito diagnostico". Scopo del corso è affrontare le tematiche inerenti ai metodi di analisi statistici e informatici per l'impiego di dati ottenuti tramite tecnologia NGS con un particolare riguardo per le applicazioni nell'ambito clinico Durata del corso 4 giorni.
- **01/04/2019 04/04/2019 Organizzatore e Docente** per corso "Analisi dei dati sperimentali con R" presso Università degli Studi di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi statistica dei dati utilizzando R
- **11/07/2018 14/07/2018 Organizzatore e Docente** per corso "Analisi dei dati sperimentali con R" presso Università degli Studi di Pavia. Scopo del corso è fornire le basi teoriche e pratiche per l'analisi dei dati utilizzando R
- **19/04/2017 Docente** per Corso di Dottorato in Medicina Clinica e Sperimentale dell'Università degli Studi di Milano lezione "L'impatto della tecnologia di Next Generation Sequencing"

#### **Incarichi come Correlatore o Tutor**

- **Anno Accademico 2017/2019 Relatore** per la tesi di **master II livello in Statistica**

**medica e genomica** dal titolo “Analisi statistica del carico mutazionale mediante NGS in pazienti con Encefalopatia Epilettica Infantile geneticamente eterogenee”. Candidato Giona Piazzotta. Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento Università di Pavia.

- **Anno Accademico 2017/2019 Relatore** per la tesi di **master II livello in Statistica medica e genomica** dal titolo “Sviluppo di strumenti bioinformatica e analisi di dati Next Generation Sequencing di leucemia mieloide acuta con mutazione nel gene NPM1”. Candidato Valentina Tini. Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento Università di Pavia.
- **Anno Accademico 2017/2019 Relatore** per la tesi di **master II livello in Statistica medica e genomica** dal titolo “Differential expression of Long non-coding genes in human females and males”. Candidato Postiglione Umberto. Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento Università di Pavia.
- **Anno Accademico 2016/2018 Relatore** per la tesi di **master II livello in Statistica medica e genomica** dal titolo “Sviluppo Applicazione per analisi di correlazione Genotipo-fenotipo con dati NGS” Candidato. Raffaella Pini. Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento Università di Pavia.
- **Anno Accademico 2016/2018 Relatore** per la tesi di **master II livello in Statistica medica e genomica** dal titolo “Analisi di metilazione genome-wide di una coorte di pazienti affetti da displasia oculo-auriculo-vertebrale (OAVS): sviluppo di una pipeline di analisi in ambiente R.” Candidato. Luciano Calzari. Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento Università di Pavia.
- **Anno Accademico 2015/2016 Correlatore** per la tesi di **laurea Magistrale in Biostatistica** dal titolo “Studio sull’associazione genotipo-fenotipo in pazienti affetti da Sindrome di Marfan e altre patologie marfanoidi: sviluppo di un approccio che permetta di sfruttare i dati ottenuti tramite analisi di sequenziamento di nuova generazione”. Dipartimento di Statistica e Metodi Quantitativi, Università degli studi di Milano-Bicocca.
- **Anno Accademico 2015/2016 Correlatore** per la tesi di **master II livello in Statistica medica e genomica** dal titolo “Studio dell’epigenoma nel parto Pre-termine: Analisi delle differenze di metilazione del DNA tra bambini nati a termine e prematuri. Candidato Serena Pisoni. Dipartimento di Scienze del Sistema Nervoso e del Comportamento Università di Pavia.

## **Organizzazione o partecipazione come relatore a convegni di carattere scientifico in Italia o all'estero**

**13/11/2019 - 16/11/2019** Relatore al congresso nazionale SIGU 2019. Relazione dal titolo: ” Fetal environment and stochastic epigenetic mutations at birth: role of epigenetic early events in chronic diseases”

**18/09/2019 - 21/09/2019** Relatore al congresso nazionale X Congresso Nazionale SISMEC . Relazione dal titolo: ” Next Generation Sequencing e analisi di correlazione genotipo fenotipo ”

**19/09/2019** Relatore al congresso internazionale Aortic Disease Awareness Day,

Relazione dal titolo:” Next Generation Sequencing and Marfan-Like spectrum: an analysis model to enhance the connection genotype-phenotype ”

**05/11/2019** Relatore al congresso nazionale "Il biologo e la genetica medica: una relazione che si declina in molti ambiti professionali in continua evoluzione ".  
Relazione dal titolo: " Big data: dalla biologia alla clinica"

**14/12/2018** Relatore al II Meeting multidisciplinare sui disturbi ipertensivi in gravidanza, IUGR e complicanze materno fetali. Relazione dal titolo:” Ruolo dell’epigenetica fetale nello sviluppo delle patologie Croniche”

**04/10/2015 06/10/2015** Relatore al XIV Congresso Nazionale SICVE 2015.Relazione dal titolo: "Aortic Genetic Aneurysm from NGS to research

**14/06/2015 17/06/2015** Relatore al congresso internazionale "European Society of Human Reproduction and Embryology" Lisbon Portugal Genome-wide epigenetic evaluation of cord blood from in vitro-conceived babies

**12/11/2014 13/11/2014** Relatore congress IUGM, Milan, 12th-13th November 2014  
Applicazioni NGS nella genetica clinica: criticità e soluzioni

**28/10/2014 31/10/2014** Relatore all’ International meeting "Epigenomics of Common Diseases" Stochastic epigenetic mutations increase exponentially during aging Wellcome Genome Campus, Hinxton, Cambridge, UK

**18/11/2013 19/11/2013** Relatore congress IUGM, Roma, 2013 Methylation array analysis Pipeline for identification of rare epigenetic variants.

**04/03/2010 07/03/2010** Relatore al 14th World Congress of Gynecological Endocrinology, 4-7 Marzo, Firenze. The endocannabinoid system and endometrial plasticity

**10/06/2009 13/06/2009** Relatore al congresso The world meeting on gynecological pelvic pain and endometriosis SEGI 10-13 giugno 2009 Bologna: " Le cellule endometriali di donne con endometriosi presentano un comportamento migratorio aberrante in risposta al trattamento ormonale"

**10/05/2006 13/05/2006** Relatore al congresso The world meeting on gynecological pelvic pain and endometriosis SEGI 10-13 maggio 2006 Milano PI3-K and ERK1/2 mediate growth factors induced endometrial cell migration.

## **Responsabilità di studi e ricerche scientifiche affidati da qualificate istituzioni pubbliche o private**

**01/01/2016 01/01/2017** Responsabile progetto di ricerca orientato a identificare e sviluppare nuove applicazioni per l’ottimizzazione delle analisi dei dati ottenuti tramite Sequenziamento di nuova Generazione. Progetto sviluppato per conto della società **Nuova Genetica Italiana**

**11/01/2016 11/01/2017** Incarico per creare e strutturare un database e una pipeline di analisi dati NGS presso **COGENTECH Consortium for GENomic TECHNOlogies**

**01/09/2016 31/10/2016** Incarico conferito da parte del Dipartimento di Scienze Cliniche e di Comunità per l’attività di supporto alla ricerca finalizzata alla costruzione del database, elaborazione ed analisi biostatistica dei dati del metiloma



del DNA estratto da campioni di epatocarcinoma e tessuto sano circostante, al fine di identificare nuovi marcatori diagnostici e prognostici per tale neoplasia da svolgersi sotto la guida del Prof. Giovanni Vitale nell'ambito del Progetto FIRB 2011 "Piattaforme tecnologiche avanzate per la definizione di nuovi biomarkers e bersagli molecolari in vettori nanotecnologici per la diagnosi e terapia di neoplasie umane" Codice CUP G41J11000440001

**20/09/2016 31/12/2018** Responsabile progetto di ricerca orientato a identificare e sviluppare nuove applicazioni e strumenti statistici per lo studio e l'identificazione delle mutazioni epigenetiche. Obiettivo del progetto è quello di sviluppare nuovi approcci analitici che sfruttino dati micro array per identificare a livello genomico alterazioni epigenetiche clinicamente rilevanti. Progetto di ricerca svolto per conto della Società Nuova Genetica Italiana

**Direzione o partecipazione a comitati editoriali di riviste, collane editoriali, enciclopedie e trattati di riconosciuto prestigio**

**14/01/2008 22/07/2016** F1000Prime ASSOCIATE FACULTY MEMBER

**18/11/2016 31/12/2017** Editorial Board Member of Journal of Gerontology & Geriatrics Research ISSN: 2167-7182

Attività di Reviewer per riviste internazionali tra cui ( European Heart Journal, Clinical Epigenetics, Aging, Aging Cell, Human Reproduction ed altre)

## **Conseguimento di premi e riconoscimenti per l'attività scientifica**

- **13/09/2017 15/09/2017** Premio Michela Ballardini per il miglior poster IX Congresso nazionale SISMEC 2017 Gargnano del Garda 13-16 Settembre. titolo del lavoro " Sviluppo di un metodo di analisi per l'Identificazione delle alterazioni epigenetiche stocastiche ed applicazione in una casistica di bambini nati da fecondazione in vitro".
- **07/03/2012 08/03/2012** 2012 15th World Congress of Gynecological Endocrinology, 7-9 Marzo, Firenze. Vincitore premio Under 34 Competition con il lavoro scientifico dal titolo "Gene expression analysis of peripheral blood mononuclear cells in women with endometriosis identifies genes involved in other non-gynaecologic chronic inflammatory diseases"
- **01/01/2012 31/12/2012** 2012 Certificato di riconoscimento conferito dalla rivista Human Reproduction al 10% dei migliori revisori per l'anno 2011
- **18/03/2010 20/03/2010** Endometriosis 2010 - from bench to patient 18 - 20 March 2010 Milano, Italy Vincitore premio miglior lavoro scientifico, miglior abstract
- **04/03/2010 07/03/2010** 2010 14th World Congress of Gynecological Endocrinology, 4-7 Marzo, Firenze. Vincitore premio Under 34 Competition
- **01/01/2009 31/12/2009** Certificato di riconoscimento conferito dalla rivista Human Reproduction ai migliori reviewers per l'anno 2009
-

## Risultati ottenuti nel trasferimento tecnologico in termini di partecipazione alla creazione di nuove imprese (spin off), sviluppo, impiego e commercializzazione di brevetti

2016 oggi Ideazione e sviluppo del software "Smarties". Il software produce un file aggregato contenente informazioni su frequenza e distribuzione delle varianti genetiche identificate tramite analisi NGS e crea un network per la condivisione delle informazioni a livello globale. Il software condivide tra gli utenti dati di epidemiologia genetica in forma aggregata consentendo di non esporre pubblicamente dati genetici sensibili. Il vantaggio di tale algoritmo rispetto ai comuni databases presenti pubblicamente o a pagamento sta nella condivisione di dati genetici in modo non supervisionato. Il programma è stato ideato presso il laboratorio di statistica ed epidemiologia genetica dell' università di Pavia ed è attualmente in fase di sviluppo tramite una collaborazione con il gruppo RES (Research for Enterprise Systems), presente da 30 anni nel settore IT. Per accedere alla parte web <https://smartiesapp.wixsite.com/smarties>

## Specifiche esperienze professionali caratterizzate da attività di ricerca

- dal 16-04-2014 al 07-11-2014 Organizzatore e docente per il corso di alta formazione "CORSO "AGGIORNAMENTI IN MICROBIOLOGIA" tenuto presso i laboratori dell'istituto Auxologico Italiano
- 11/01/2016 11/01/2017 Responsabile progetto di ricerca orientato a identificare e sviluppare nuove applicazioni per l'ottimizzazione delle analisi dei dati ottenuti tramite Sequenziamento di nuova Generazione. Progetto sviluppato per conto della società Nuova Genetica Italiana. Incarico per creare e strutturare un database bioinformatico ed una Pipeline per analisi dei dati di sequenziamento di nuova generazione NGS presso COGENTECH Consortium for GENomic TECHNOLOGIES
- 2016 Coautore del libro Nutrigenomica dalla biologia alla clinica.

Autore del capitolo dal titolo "Alimentazione durante la gravidanza ed implicazioni epigenetiche"

## Publicazioni Scientifiche in esteso

Riassunto degli indicatori bibliometrici Totale Articoli 81 H-Index Scopus :  
25 H-Index WOS : 23 Numero citazioni Scopus 1971 Numero citazioni WOS

1. Gensous N, Garagnani P, Santoro A, Giuliani C, Ostan R, Fabbri C, Milazzo M, **Gentilini D**, di Blasio AM, Pietruszka B, Madej D, Bialecka-Debek A, Brzozowska A, Franceschi C, Bacalini MG. One-year Mediterranean diet promotes epigenetic rejuvenation with country- and sex-specific effects: a pilot study from the NU-AGE project. *Geroscience*. 2020 Jan 24. doi: 10.1007/s11357-019-00149-0. [Epub ahead of print] **IF: 6.444**
2. Polano M, Chierici M, Dal Bo M, **Gentilini D**, Di Cintio F, Baboci L, Gibbs DL, Furlanello C, Toffoli G. A Pan-Cancer Approach to Predict Responsiveness to Immune Checkpoint Inhibitors by Machine Learning. *Cancers (Basel)*. 2019 Oct 15;11(10). pii: E1562. doi: 10.3390/cancers11101562. **IF: 5.326**
3. Gentilini D, Oliveri A, Fazia T, Pini A, Marelli S, Bernardinelli L, Di Blasio AM. NGS analysis in Marfan syndrome spectrum: Combination of rare and common genetic variants to improve genotype-phenotype correlation analysis. *PLoS One*. 2019 Sep 19;14(9):e0222506. doi: 10.1371/journal.pone.0222506. eCollection 2019
4. Loi E, Moi L, Fadda A, Satta G, Zucca M, Sanna S, Amini Nia S, Cabras G, Padoan M, Magnani C, Miligi L, Piro S, **Gentilini D**, Ennas MG, Southey MC, Giles GG, Wong Doo N, Cocco P, Zavattari P. Methylation alteration of SHANK1 as a predictive, diagnostic and prognostic biomarker for chronic lymphocytic leukemia. *Oncotarget*. 2019 Aug 13;10(48):4987-5002. doi: 10.18632/oncotarget.27080. **IF: 5.168**
5. Cogliati F, Giorgini V, Masciadri M, Bonati MT, Marchi M, Cracco I, **Gentilini D**, Peron A, Savini MN, Spaccini L, Scelsa B, Maitz S, Veneselli E, Prato G, Pintaudi M, Moroni I, Vignoli A, Larizza L, Russo S. Pathogenic Variants in STXBP1 and in Genes for GABA<sub>A</sub> Receptor Subunits Cause Atypical Rett/Rett-like Phenotypes. *Int J Mol Sci*. 2019 Jul 24;20(15). pii: E3621. doi: 10.3390/ijms20153621. **IF: 4.183**
6. Colombo EA, Mutlu-Albayrak H, Shafeghati Y, Balasar M, Piard J, **Gentilini D**, Di Blasio AM, Gervasini C, Van Maldergem L, Larizza L. Phenotypic Overlap of Roberts and Baller-Gerold Syndromes in Two Patients With Craniosynostosis, Limb Reductions, and ESCO2 Mutations. *Front Pediatr*. 28;7:210. doi: 10.3389/fped.2019.00210. eCollection 2019. **IF: 2.33**
7. Verde, Federico, Tiloca, Cinzia, Morelli, Claudia, Doretto, Alberto, Poletti, Barbara, Maderna, Luca, Messina, Stefano, **Gentilini** , Davide, Fogh, Isabella, Ratti, Antonia, Silani, Vincenzo, Ticozzi, Nicola (2019). PON1 is a disease modifier gene in amyotrophic lateral sclerosis: association of the Q192R polymorphism with bulbar onset and reduced survival. *NEUROLOGICAL SCIENCES* , ISSN: 1590-1874, doi: 10.1007/s10072-019-03834-2 **IF: 2.285**
8. Gneccchi-Ruscione, Guido Alberto, Sarno, Stefania, De Fanti, Sara, Gianvincenzo, Laura, Giuliani, Cristina, Boattini, Alessio, Bortolini, Eugenio, Di Corcia, Tullia, Sanchez Mellado, Cesar, Dàvila Francia, Taylor Jesus, **Gentilini** , Davide, Di Blasio, Anna Maria, Di Cosimo, Patrizia, Cilli, Elisabetta, Gonzalez-Martin, Antonio, Franceschi, Claudio, Franceschi, Zeldá Alice, Rickards, Olga, Sazzini, Marco, Luiselli, Donata, Pettener, Davide (2019). Dissecting the Pre-Columbian genomic ancestry of Native Americans along the Andes-Amazonia divide. *MOLECULAR BIOLOGY AND EVOLUTION* , ISSN: 0737-4038, doi:

10.1093/molbev/msz066 IF: 14.797

9. Cilli, Elisabetta, Sarno, Stefania, Gneccchi Ruscone, Guido Alberto, Serventi, Patrizia, De Fanti, Sara, Delaini, Paolo, Ognibene, Paolo, Basello, Gian Pietro, Ravegnini, Gloria, Angelini, Sabrina, Ferri, Gianmarco, **Gentilini** , Davide, Di Blasio, Anna Maria, Pelotti, Susi, Pettener, Davide, Sazzini, Marco, Panaino, Antonio, Luiselli, Donata, Gruppioni, Giorgio. The genetic legacy of the Yaghnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool. **AMERICAN JOURNAL OF PHYSICAL ANTHROPOLOGY** , vol. 168, p. 717-728, ISSN: 0002-9483 (2019) , doi: 10.1002/ajpa.23789 IF: 2.901
10. Rurali E, Perrucci GL, Gaetano R, Pini A, Moschetta D,**Gentilini** D, Nigro P, Pompilio G. Soluble EMMPRIN levels discriminate aortic ectasia in Marfan syndrome patients. **Theranostics** . 2019 Apr 12;9(8):2224-2234. doi: 10.7150/thno.30714 IF: 8.537
11. Schwartz, Peter J, **Gentilini** , Davide (2018). Can genetics predict risk for sudden cardiac death? The relentless search for the Holy Grail. **EUROPEAN HEART JOURNAL** , ISSN: 0195-668X, doi: 10.1093/eurheartj/ehy508 IF: 23.425
12. Persani, Luca, De Filippis, Tiziana, Colombo, Carla,**Gentilini** , Davide (2018). Genetic diagnosis of endocrine diseases by NGS: Novel scenarios and unpredictable results and risks.**EUROPEAN JOURNAL OF ENDOCRINOLOGY** , vol. 179, p. R111-R123, ISSN: 0804-4643, doi: 10.1530/EJE-18-0379 IF: 4.333
13. Ostan, R, Monti, D, MARI, DARIA, Arosio, B, **Gentilini** , D, Ferri, E, Passarino, G, De Rango, F, D'Aquila, P, Mariotti, S, Pasquali, R, Fanelli, F, Bucci, L, Franceschi, C, Vitale, G (2018). Heterogeneity of thyroid function and impact of peripheral thyroxine deiodination in centenarians and semi-supercentenarians: association with functional status and mortality. **JOURNALS OF GERONTOLOGY SERIES A-BIOLOGICAL SCIENCES AND MEDICAL SCIENCES** , ISSN: 1079-5006, doi: 10.1093/gerona/gly194 IF: 4.902
14. Mattioli, Elisabetta, Andrenacci, Davide, Garofalo, Cecilia, Prencipe, Sabino, Scotlandi, Katia, Remondini, Daniel, **Gentilini** , Davide, Di Blasio, Anna Maria, Valente, Sergio, Scarano, Emanuela, Cicchilitti, Lucia, Piaggio, Giulia, Mai, Antonello, Lattanzi, Giovanna (2018). Altered modulation of lamin A/C-HDAC2 interaction and p21 expression during oxidative stress response in HGPS. **AGING CELL**, ISSN: 1474-9718, doi: 10.1111/accel.12824 IF: 7.627
15. Giuliani, Cristina, Sazzini, Marco, Pirazzini, Chiara, Bacalini, Maria Giulia, Marasco, Elena, Ruscone, Guido Alberto Gneccchi, Fang, Fang, Sarno, Stefania, **Gentilini** , Davide, Di Blasio, Anna Maria, Crocco, Paolina, Passarino, Giuseppe, Mari, Daniela, Monti, Daniela, Nacmias, Benedetta, Sorbi, Sandro, Salvarani, Carlo, Catanoso, Mariagrazia, Pettener, Davide, Luiselli, Donata, Ukraintseva, Svetlana, Yashin, Anatoliy, Franceschi, Claudio, Garagnani, Paolo (2018). Impact of demography and population dynamics on the genetic architecture of human longevity. **AGING**, vol. 10, ISSN: 1945-4589, doi: 10.18632/aging.101515 IF: 5.179
16. **Gentilini** D, Somigliana E, Pagliardini L, Rabellotti E, Garagnani P, Bernardinelli L, Papaleo E, Candiani M, Di Blasio AM, Viganò P (2018). Multifactorial analysis of the stochastic epigenetic variability in cord blood confirmed an impact of common behavioral and environmental factors but not of in vitro conception. **CLINICAL EPIGENETICS**, vol. 10, p. 1-13, ISSN: 1868-7083, doi: 10.1186/s13148-018-0510-3 IF: 6.091

17. Gensous, Noémie, Franceschi, Claudio, Blomberg, Bonnie B., Pirazzini, Chiara, Ravaioli, Francesco, **Gentilini**, Davide, Di Blasio, Anna Maria, Garagnani, Paolo, Frasca, Daniela, Bacalini, Maria Giulia (2018). Responders and non-responders to influenza vaccination: A DNA methylation approach on blood cells. *EXPERIMENTAL GERONTOLOGY*, ISSN: 0531-5565, doi: 10.1016/j.exger.2018.01.019 **IF: 3.224**
18. Fazia Teresa, Pastorino Roberta, Notartomaso Serena, Busceti Carla, Imbriglio Tiziana, Cannella Milena, **Gentilini** Davide, Morani Gabriele, Ticca Anna, Bitti Pierpaolo, Berzuini Carlo, Dalmay Tamas, Battipaglia Giuseppe, Bernardinelli Luisa (2018). Acid Sensing Ion Channel 2: a new potential player in the pathophysiology of multiple sclerosis. *EUROPEAN JOURNAL OF NEUROSCIENCE*, ISSN: 0953-816X, doi: 10.1111/ejn.14302 **IF: 2.832**
19. Fadda, Antonio, **Gentilini**, Davide, Moi, Loredana, Barault, Ludovic, Leoni, Vera Piera, Sulas, Pia, Zorcolo, Luigi, Restivo, Angelo, Cabras, Francesco, Fortunato, Federica, Zavattari, Cesare, Varesco, Liliana, Gismondi, Viviana, De Miglio, Maria Rosaria, Scanu, Antonio Mario, Colombi, Federica, Lombardi, Pasquale, Sarotto, Ivana, Loi, Eleonora, Leone, Francesco, GIORDANO, SILVIA, Di Nicolantonio, Federica, Columbano, Amedeo, Zavattari, Patrizia (2018). Colorectal cancer early methylation alterations affect the crosstalk between cell and surrounding environment, tracing a biomarker signature specific for this tumor. *INTERNATIONAL JOURNAL OF CANCER*, ISSN: 0020-7136, doi: 10.1002/ijc.31380 **IF: 7.36**
20. Dicitore, Alessandra, Castiglioni, Sara, Saronni, Davide, **Gentilini**, Davide, Borghi, Maria Orietta, Stabile, Stefano, Vignali, Michele, Di Blasio, Anna Maria, Persani, Luca, Vitale, Giovanni (2018). Effects of human recombinant type I IFNs (IFN- $\alpha$ 2b and IFN- $\beta$ 1a) on growth and migration of primary endometrial stromal cells from women with deeply infiltrating endometriosis: A preliminary study. *EUROPEAN JOURNAL OF OBSTETRICS, GYNECOLOGY, AND REPRODUCTIVE BIOLOGY*, vol. 230, p. 192-198, ISSN: 0301-2115, doi: 10.1016/j.ejogrb.2018.10.004 **IF: 1.809**
21. Cassarino, Maria Francesca, Ambrogio, Alberto G., Cassarino, Andrea, Terreni, Maria Rosa, **Gentilini**, Davide, Sesta, Antonella, Cavagnini, Francesco, Losa, Marco, Pecori Giraldi, Francesca (2018). Gene expression profiling in human corticotroph tumours reveals distinct, neuroendocrine profiles. *JOURNAL OF NEUROENDOCRINOLOGY*, vol. 30, ISSN: 0953-8194, doi: 10.1111/jne.12628 **IF: 3.392**
22. Bacalini, Maria Giulia, Franceschi, Claudio, **Gentilini**, Davide, Ravaioli, Francesco, Zhou, Xiaoyuan, Remondini, Daniel, Pirazzini, Chiara, Giuliani, Cristina, Marasco, Elena, Gensous, Noémie, Di Blasio, Anna Maria, Ellis, Ewa, Gramignoli, Roberto, Castellani, Gastone, Capri, Miriam, Strom, Stephen, Nardini, Christine, Cescon, Matteo, Grazi, Gian Luca, Garagnani, Paolo (2018). Molecular Aging of Human Liver: An Epigenetic/Transcriptomic Signature. *JOURNALS OF GERONTOLOGY SERIES A-BIOLOGICAL SCIENCES AND MEDICAL SCIENCES*, ISSN: 1079-5006, doi: 10.1093/gerona/gly048. **IF: 4.902**
23. Antonelli, Manila, Fadda, Antonio, Loi, Eleonora, Moi, Loredana, Zavattari, Cesare, Sulas, Pia, **Gentilini**, Davide, Cameli, Cinzia, Bacchelli, Elena, Badiali, Manuela, Arcella, Antonella, Morra, Isabella, Giangaspero, Felice, Zavattari, Patrizia (2018). Integrated DNA methylation analysis identifies topographical and tumoral biomarkers in pilocytic astrocytomas. *ONCOTARGET*, vol. 9, p.

13807-13821, ISSN: 1949-2553, doi: 10.18632/oncotarget.24480 IF: 5.168

24. Mayosi, Bongani M., Fish, Maryam, Shaboodien, Gasnat, Mastantuono, Elisa, Kraus, Sarah, Wieland, Thomas, Kotta, Maria-Christina, Chin, Ashley, Laing, Nakita, Ntusi, Ntobeko B. A., Chong, Michael, Horsfall, Christopher, Pimstone, Simon N., **Gentilini** , Davide, Parati, Gianfranco, Strom, Tim-Matthias, Meitinger, Thomas, Pare, Guillaume, Schwartz, Peter J., Crotti, Lia (2017). Identification of Cadherin 2 (CDH2) Mutations in Arrhythmogenic Right Ventricular Cardiomyopathy. *CIRCULATION, CARDIOVASCULAR GENETICS*, vol. 10, ISSN: 1942-325X, doi: 10.1161/CIRCGENETICS.116.001605 IF: 5.664
25. Gnecci-Ruscone, Guido A., Jeong, Choongwon, De Fanti, Sara, Sarno, Stefania, Trancucci, Michela, **Gentilini** , Davide, Di Blasio, Anna M., Sherpa, Mingma G., Sherpa, Phurba T., Marinelli, Giorgio, Di Marcello, Marco, Natali, Luca, Peluzzi, Davide, Pettener, Davide, Di Rienzo, Anna, Luiselli, Donata, Sazzini, Marco (2017). The genomic landscape of Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Himalayas. *SCIENTIFIC REPORTS*, vol. 7, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/s41598-017-15862-z IF: 4.122
26. **Gentilini** , Davide, Scala, Stefania, Gaudenzi, Germano, Garagnani, Paolo, Capri, Miriam, Cescon, Matteo, Grazi, Gian Luca, Bacalini, Maria Giulia, Pisoni, Serena, Dicitore, Alessandra, Circelli, Luisa, Santagata, Sara, IZZO, FRANCESCO, Di Blasio, Anna Maria, Persani, Luca, Franceschi, Claudio, Vitale, Giovanni (2017). Epigenome-wide association study in hepatocellular carcinoma: Identification of stochastic epigenetic mutations through an innovative statistical approach. *ONCOTARGET*, vol. 8, p. 41890-41902, ISSN: 1949-2553, doi: 10.18632/oncotarget.17462 IF: 5.168
27. G. Vitale, A. Dicitore, D. Pepe, D. **Gentilini** , E.S. Grassi, M.O. Borghi, G. Gelmini, M.C. Cantone, G. Gaudenzi, G. Misso, A.M. Di Blasio, L.J. Hofland, M. Caraglia, L. Persani (2017). Synergistic activity of everolimus and 5-aza-2'-deoxycytidine in medullary thyroid carcinoma cell lines. *MOLECULAR ONCOLOGY*, vol. 11, p. 1007-1022, ISSN: 1574-7891, doi: 10.1002/1878-0261.12070 IF: 5.264
28. Fazia, Teresa, Pastorino, Roberta, Foco, Luisa, Han, Lide, Abney, Mark, Beecham, Ashley, Hadjixenofontos, Athena, Guo, Hui, **Gentilini** , Davide, Papachristou, Charalampos, Bitti, Pier Paolo, Ticca, Anna, Berzuini, Carlo, McCauley, Jacob L, Bernardinelli, Luisa (2017). Investigating multiple sclerosis genetic susceptibility on the founder population of east-central Sardinia via association and linkage analysis of immune-related loci. *MULTIPLE SCLEROSIS*, ISSN: 1352-4585, doi: 10.1177/1352458517732841 IF: 5.28
29. Durso, Danielle Fernandes, Bacalini, Maria Giulia, Sala, Claudia, Pirazzini, Chiara, Marasco, Elena, Bonafé, Massimiliano, do Valle, Ítalo Faria, **Gentilini** , Davide, Castellani, Gastone, Faria, Ana Maria Caetano, Franceschi, Claudio, Garagnani, Paolo, Nardini, Christine (2017). Acceleration of leukocytes' epigenetic age as an early tumor and sex-specific marker of breast and colorectal cancer. *ONCOTARGET*, vol. 8, p. 23237-23245, ISSN: 1949-2553, doi: 10.18632/oncotarget.15573 IF: 5.168
30. De Filippis, Tiziana, Gelmini, Giulia, Paraboschi, Elvezia, Vigone, Maria Cristina, Di Frenna, Marianna, Marelli, Federica, Bonomi, Marco, Cassio, Alessandra, Larizza, Daniela, Moro, Mirella, Radetti, Giorgio, Salerno, Mariacarla, Ardissino, Diego, Weber, Giovanna, **Gentilini** , Davide, Guizzardi, Fabiana, Duga, Stefano, Persani, Luca (2017). A frequent oligogenic involvement in congenital hypothyroidism. *HUMAN MOLECULAR GENETICS ONLINE* , vol.

- 26, p. 2507-2514, ISSN: 1460-2083, doi: 10.1093/hmg/ddx145 **IF: 4.902**
31. Sazzini M, Gnechi Ruscone GA, Giuliani C, Sarno S, Quagliariello A, De Fanti S, Boattini A, **Gentilini D**, Fiorito G, Catanoso M, Boiardi L, Croci S, Macchioni P, Mantovani V, Di Blasio AM, Matullo G, Salvarani C, Franceschi C, Pettener D, Garagnani P, Luiselli D. (2016). Complex interplay between neutral and adaptive evolution shaped differential genomic background and disease susceptibility along the Italian peninsula.. **SCIENTIFIC REPORTS** , 32513, ISSN: 2045-2322, doi: 10.1038/srep32513 **IF: 4.122**
  32. Pagliardini L, **Gentilini D**, Rbellotti E, Paffoni A, Somigliana E, Candiani M, Viganò P (2016). Epigenome-Wide Analysis of Stochastic Variations in Children Conceived In Vitro Compared to Those Conceived In Vivo.. **REPRODUCTIVE SCIENCES** , vol. 23, p. 102A, ISSN: 1933-7191 **IF: 2.548**
  33. Hinney A, Kesselmeier M, Jall S, Volckmar AL, Föcker M, Antel J, GCAN, WTCCC3, Heid IM, Winkler TW, GIANT, Grant SF, EGG, Guo Y, Bergen AW, Kaye W, Berrettini W, Hakonarson H, Price Foundation Collaborative Group, Children's Hospital of Philadelphia-Price Foundation, Herpertz-Dahlmann B, de Zwaan M, Herzog W, Ehrlich S, Zipfel S, Egberts KM, Adan R, Brandys M, van Elburg A, Boraska Perica V, ... (2016). Evidence for three genetic loci involved in both anorexia nervosa risk and variation of body mass index. **MOLECULAR PSYCHIATRY** , ISSN: 1359-4184, doi: DOI: 10.1038/mp.2016.71 **IF: 11.64**
  34. C.B. Chighizola, F. Pregnolato, E. Raschi, C. Grossi, D.**Gentilini** , M.O. Borghi, P. Chen, P.L. Meroni (2016). Antiphospholipid Antibodies and Infertility : A Gene Expression Study in Decidual Stromal Cells. **ISRAEL MEDICAL ASSOCIATION JOURNAL** , vol. 18, p. 146-149, ISSN: 1565-1088 **IF: 0.817**
  35. Bacalini, Maria Giulia, Boattini, Alessio, **Gentilini** , Davide, Giampieri, Enrico, Pirazzini, Chiara, Giuliani, Cristina, Fontanesi, Elisa, Remondini, Daniel, Capri, Miriam, Del Rio, Alberto, Luiselli, Donata, Vitale, Giovanni, Mari, Daniela, Castellani, Gastone, Di Blasio, Anna Maria, Salvioli, Stefano, Franceschi, Claudio, Garagnani, Paolo (2016). Erratum: A meta-analysis on age-associated changes in blood DNA methylation: results from an original analysis pipeline for Infinium 450k data. **AGING**, vol. 8, p. 831, ISSN: 1945-4589, doi: 10.18632/aging.100915 **IF: 5.179**
  36. Vignali M, Mabrouk M, Ciocca E, Alabiso G, di Prun AB,**Gentilini D**, Busacca M (2015). Surgical excision of ovarian endometriomas: Does it truly impair ovarian reserve? Long term anti-Mullerian hormone (AMH) changes after surgery. **THE JOURNAL OF OBSTETRICS AND GYNAECOLOGY RESEARCH** , vol. 41, p. 1773-1778, ISSN: 1341-8076, doi: 10.1111/jog.12830 **IF: 1.091**
  37. Rossetti R, Fornili M, Ferrari I, **Gentilini D**, Biganzoli E, Persani L (2015). Molecular investigations on the BMP15 oocyte-derived growth factor activity in human granulosa cells. **HUMAN REPRODUCTION** , vol. 30, p. 428-429, ISSN: 0268-1161 **IF: 4.99**
  38. Parolo S, Lisa A, **Gentilini D**, Di Blasio AM, Barlera S, Nicolis EB, Boncoraglio GB, Parati EA, Bione S (2015). Characterization of the biological processes shaping the genetic structure of the Italian population. **BMC GENETICS** , vol. 16, ISSN: 1471-2156, doi: 10.1186/s12863-015-0293-x **IF: 2.469**
  39. Pagliardini L, **Gentilini D**, Sanchez AM, Candiani M, Viganò P, Di Blasio AM (2015). Replication and meta-analysis of previous genome-wide association studies confirm vezatin as the locus with the strongest evidence for association with endometriosis. **HUMAN REPRODUCTION** , vol. 30, p. 987-993, ISSN:

0268-1161, doi: 10.1093/humrep/dev022 IF: 4.99

40. Horvath S, Pirazzini C, Bacalini MG, **Gentilini D**, Di Blasio AM, Delledonne M, Mari D, Arosio B, Monti D, Passarino G, De Rango F, D'Aquila P, Giuliani C, Marasco E, Collino S, Descombes P, Garagnani P, Franceschi C (2015). Decreased epigenetic age of PBMCs from Italian semi-supercentenarians and their offspring. **AGING** , vol. 7, p. 1159-1170, ISSN: 1945-4589 IF: 5.179
41. Horvath S, Garagnani P, Bacalini MG, Pirazzini C, Salvioli S, **Gentilini D**, Di Blasio AM, Giuliani C, Tung S, Vinters HV, Franceschi C (2015). Accelerated epigenetic aging in Down syndrome. **AGING CELL** , vol. 14, p. 491-495, ISSN: 1474-9718, doi: 10.1111/accel.12325 IF: 7.627
42. **Gentilini** , Davide, Garagnani, Paolo, Pisoni, Serena, Bacalini, Maria Giulia, Calzari, Luciano, Mari, Daniela, Vitale, Giovanni, Franceschi, Claudio, Di Blasio, Anna Maria (2015). Stochastic epigenetic mutations (DNA methylation) increase exponentially in human aging and correlate with X chromosome inactivation skewing in females. **AGING** , vol. 7, p. 568-78-578, ISSN: 1945-4589, doi: 10.18632/aging.100792 IF: 5.179
43. **Gentilini D**, Rabellotti E, Pagliardini L, Somigliana E, Zanirato M, Vanni VS, Papaleo E, Di Blasio AM, Vignani P (2015). Genome-wide epigenetic evaluation of cord blood from in vitro-conceived babies. **HUMAN REPRODUCTION** , vol. 30, p. 86-87, ISSN: 0268-1161 IF: 4.99
44. D. **Gentilini** , P. Garagnani, S. Pisoni, M.G. Bacalini, L. Calzari, D. Mari, G. Vitale, C. Franceschi, A.M. Di Blasio (2015). Stochastic epigenetic mutations (DNA methylation) increase exponentially in human aging and correlate with X chromosome inactivation skewing in females. **AGING** , vol. 7, p. 568-578, ISSN: 1945-4589 IF: 5.179
45. Bacalini MG, **Gentilini D**, Boattini A, Giampieri E, Pirazzini C, Giuliani C, Fontanesi E, Scurti M, Remondini D, Capri M, Cocchi G, Ghezzi A, Del Rio A, Luiselli D, Vitale G, Mari D, Castellani G, Fraga M, Di Blasio AM, Salvioli S, Franceschi C, Garagnani P (2015). Identification of a DNA methylation signature in blood cells from persons with Down Syndrome. **AGING** , vol. 7, p. 82-96, ISSN: 1945-4589 IF: 5.179
46. Winkler TW, Day FR, Croteau-Chonka DC, Wood AR, Locke AE, Mägi R, Ferreira T, Fall T, Graff M, Justice AE, Luan J, Gustafsson S, Randall JC, Vedantam S, Workalemahu T, Kilpeläinen TO, Scherag A, Esko T, Kutalik Z, Heid IM, Loos RJ, Genetic Investigation of Anthropometric Traits (GIANT) Consortium ( Abecasis GR, Absher D, Alavere H, Albrecht E, Allen HL, Almgren P, Amin N, Amouyel P, Anderson D, ... (2014). Quality control and conduct of genome-wide association meta-analyses. **NATURE PROTOCOLS** , ISSN: 1750-2799, doi: 10.1038/nprot.2014.071 IF: 12.423
47. Hoggart CJ, Venturini G, Mangino M, Gomez F, Ascari G, Zhao JH, Teumer A, Winkler TW, Tšernikova N, Luan J, Mihailov E, Ehret GB, Zhang W, Lamparter D, Esko T, Macé A, Rieger S, Bochud PY, Barcella M, Dauvilliers Y, Benjamin B, Evans DM, Hayward C, Lopez MF, Franke L, Russo A, Heid IM, Salvi E, Vendantam S, Arking DE, ... (2014). Novel approach identifies SNPs in SLC2A10 and KCNK9 with evidence for parent-of-origin effect on body mass index.. **PLOS GENETICS** , ISSN: 1553-7390, doi: doi: 10.1371/journal.pgen.1004508 IF: 5.54
48. Fogh I1, Ratti A, Gellera C, Lin K, Tiloca C, Moskvina V, Corrado L, Sorarù G, Cereda C, Corti S, **Gentilini D**, Calini D, Castellotti B, Mazzini L, Querin G, Gagliardi S, Del Bo R, Conforti FL, Siciliano G, Inghilleri M, Saccà F, Bongioanni



- P, Penco S, Corbo M, Sorbi S, Filosto M, Ferlini A, Di Blasio AM, Signorini S, Shatunov A, ... (2014). A genome-wide association meta-analysis identifies a novel locus at 17q11.2 associated with sporadic amyotrophic lateral sclerosis. **HUMAN MOLECULAR GENETICS** , vol. 23, p. 2220-2231, ISSN: 0964-6906, doi: 10.1093/hmg/ddt587 IF: 4.902
49. Buggio L, Pagliardini L, **Gentilini D**, De Braud L, Viganò P, Vercellini P (2014). A Rare Familial Case of Endometriosis with Very Severe Gynecological and Obstetric Complications. **GYNECOLOGIC AND OBSTETRIC INVESTIGATION** , vol. 77, p. 201-204, ISSN: 0378-7346, doi: 10.1159/000360290 IF: 1.183
50. Zulian A, Canello R, Ruocco C, **Gentilini D**, Di Blasio AM, Danelli P, Micheletto G, Cesana E, Invitti C (2013). Differences in visceral fat and fat bacterial colonization between ulcerative colitis and Crohn's disease. An in vivo and in vitro study. **PLOS ONE** , vol. 8, ISSN: 1932-6203, doi: 10.1371/journal.pone.0078495 IF: 2.766
51. Hu Yi-Juan, Berndt Sonja I., Gustafsson Stefan, Ganna Andrea, Hirschhorn Joel, North Kari E., Ingelsson Erik, Lin Dan-Yu, Berndt SI, Gustafsson S, Mägi R, Ganna A, Wheeler E, Feitosa MF, Justice AE, Monda KL, Croteau-Chonka DC, Day FR, Esko T, Fall T, Ferreira T, **Gentilini D**, Jackson AU, Luan J, Randall JC, Vedantam S, Willer CJ, Winkler TW, Wood AR, Workalemahu T, ... (2013). Meta-analysis of Gene-Level Associations for Rare Variants Based on Single-Variant Statistics. **AMERICAN JOURNAL OF HUMAN GENETICS** , vol. 93, p. 236-248, ISSN: 0002-9297, doi: 10.1016/j.ajhg.2013.06.011 IF: 8.855
52. **Gentilini D**, Mari D, Castaldi D, Remondini D, Ogliari G, Ostan R, Bucci L, Sirchia SM, Tabano S, Cavagnini F, Monti D, Franceschi C, Di Blasio AM, Vitale G. (2013). Role of epigenetics in human aging and longevity : genome-wide DNA methylation profile in centenarians and centenarians' offspring. **AGE** , vol. 35, p. 1961-1973, ISSN: 1574-4647, doi: 10.1007/s11357-012-9463-1 IF: 3.92
53. Di Blasio Anna Maria, Vignali Michele, **Gentilini D** (2013). The endocannabinoid pathway and the female reproductive organs. **JOURNAL OF MOLECULAR ENDOCRINOLOGY** , vol. 50, p. R1-R9, ISSN: 0952-5041, doi: 10.1530/JME-12-0182 IF: 3.297
54. Canello Raffaella, Zulian Alessandra, **Gentilini D**, Maestrini Sabrina, Della Barba Alberto, Invitti Cecilia, Cora Davide, Caselle Michele, Liuzzi Antonio, Di Blasio Anna Maria (2013). Molecular and morphologic characterization of superficial- and deep-subcutaneous adipose tissue subdivisions in human obesity. **OBESITY** , vol. 21, p. 2562-2570, ISSN: 1930-7381, doi: 10.1002/oby.20417 IF: 4.042
55. Canello R, Zulian A, **Gentilini D**, Mencarelli M, Della Barba A, Maffei M, Vitti P, Invitti C, Liuzzi A, Di Blasio AM (2013). Permanence of molecular features of obesity in subcutaneous adipose tissue of ex-obese subjects. **INTERNATIONAL JOURNAL OF OBESITY** , vol. 37, p. 867-873, ISSN: 0307-0565, doi: 10.1038/ijo.2013.7 IF: 5.151
56. Berndt SI, Gustafsson S, Mägi R, Ganna A, Wheeler E, Feitosa MF, Justice AE, Monda KL, Croteau-Chonka DC, Day FR, Esko T, Fall T, Ferreira T, **Gentilini D**, Jackson AU, Luan J, Randall JC, Vedantam S, Willer CJ, Winkler TW, Wood AR, Workalemahu T, Hu YJ, Lee SH, Liang L, Lin DY, Min JL, Neale BM, Thorleifsson G, Yang J, ... (2013). Genome-wide meta-analysis identifies 11 new loci for anthropometric traits and provides insights into genetic architecture. **NATURE GENETICS** , vol. 45, p. 501-512, ISSN: 1061-4036, doi: 10.1038/ng.2606 IF:

57. Pirisi M, Grossi G, Marzullo P, **Gentilini D**, Mai S, Burlone ME, Mencarelli M, Rossini A, Momo E, Minisini R, Liuzzi A, Di Blasio AM (2012). PNPLA3 rs738409 C > G polymorphism in 1,167 morbidly obese patients: relationship with abnormal liver biochemistry. **HEPATOLOGY** , vol. 56, p. 893A, ISSN: 0270-9139 **IF: 4.117**
58. Pagliardini, Luca, **Gentilini D**, Davide, Vigano, Paola, Panina-Bordignon, Paola, Busacca, Mauro, Candiani, Massimo, Di Blasio, Anna Maria (2013). An Italian association study and meta-analysis with previous GWAS confirm WNT4, CDKN2BAS and FN1 as the first identified susceptibility loci for endometriosis. **JOURNAL OF MEDICAL GENETICS** , vol. 50, p. 43-46, ISSN: 0022-2593, doi: 10.1136/jmedgenet-2012-101257 **IF: 5.751**
59. **Gentilini D**, Castaldi D, Mari D, Monti D, Franceschi C, Di Blasio AM, Vitale G (2012). Age-dependent skewing of X chromosome inactivation appears delayed in centenarians' offspring. Is there a role for allelic imbalance in Healthy Aging and Longevity?. **AGING CELL** , vol. 11, p. 277-283, ISSN: 1474-9718, doi: 10.1111/j.1474-9726.2012.00790.x **IF: 7.627**
60. Garagnani P, Bacalini MG, Pirazzini C, Gori D, Giuliani C, Mari D, Di Blasio AM, **Gentilini D**, Vitale G, Collino S, Rezzi S, Castellani G, Capri M, Salvioli S, Franceschi C (2012). Methylation of ELOVL2 gene as a new epigenetic marker of age. **AGING CELL** , vol. 11, p. 1132-1134, ISSN: 1474-9718, doi: 10.1111/accel.12005 **IF: 7.627**
61. CERVIO, ELISABETTA, DE FERRARI, GAETANO, MONTI, MARIA CRISTINA, **GENTILINI D**, DAVIDE, Malpasso G, Striuli L, Ferrario M, Massa M, Di Blasio A, Zanchetti A, SCHWARTZ, PETER, GNECCHI, MASSIMILIANO (2012). Identificazione di microRNA circolanti specificatamente sovra espressi in corso di infarto miocardico acuto.. In: Giornale Italiano di Cardiologia. **GIORNALE ITALIANO DI CARDIOLOGIA**, vol. 13 Suppl 2 (Abstract P188), p. 85s, ISSN: 1972-6481, Firenze (Italia), 30 Maggio - 2 Giugno 2012
62. Zulian A, Canello R, Micheletto G, **Gentilini D**, Gilardini L, Danelli P, Invitti C (2012). Visceral adipocytes: old actors in obesity and new protagonists in Crohn's disease?. **GUT** , vol. 61, p. 86-94, ISSN: 0017-5749, doi: 10.1136/gutjnl-2011-300391 **IF: 17.016**
63. Parolo S, Ciusani E, **Gentilini D**, Gori F, Lisa A, Barlera S, Di Blasio AM, Parati EA, Bione S, Boncoraglio GB (2011). Contribution of the 9p21.3 genomic region to the pathogenesis of cerebrovascular disorders in the Italian population. **THE FEBS JOURNAL** , vol. 278, p. 369, ISSN: 1742-464X **IF: 4.53**
64. Mihalich A, Vigano P, **Gentilini D**, Borghi MO, Vignali M, Busacca M, Di Blasio A (2012). Interferon-inducible genes, TNF-related apoptosis-inducing ligand (TRAIL) and interferon inducible protein 27 (IFI27) are negatively regulated in leiomyomas: implications for a role of the interferon pathway in leiomyoma development. **GYNECOLOGICAL ENDOCRINOLOGY** , vol. 28, p. 216-219, ISSN: 0951-3590, doi: 10.3109/09513590.2011.588746 **IF: 1.453**
65. **Gentilini D**, A. Perino, P. Viganò, I. Chiodo, G. Cucinella, M. Vignali, A.M. Di Blasio, M. Busacca (2011). Gene expression profiling of peripheral blood mononuclear cells in endometriosis identifies genes altered in non-gynaecologic chronic inflammatory diseases. **HUMAN REPRODUCTION** , vol. 26, p. 3109-3117, ISSN: 0268-1161, doi: 10.1093/humrep/der270 **IF: 4.99**
66. Vitale G, Dicitore A, **Gentilini D**, Cavagnini F (2010). Immunomodulatory effects

- of VEGF Clinical implications of VEGF-targeted therapy in human cancer. **CANCER BIOLOGY & THERAPY** , vol. 9, p. 694-698, ISSN: 1538-4047, doi: 10.4161/cbt.9.9.11691 **IF: 3.373**
67. Somigliana E, Vigano P, Abbiati A, **Gentilini D**, Parazzini F, Benaglia L, Vercellini P, Fedele L (2010). 'Here comes the sun': pigmentary traits and sun habits in women with endometriosis. **HUMAN REPRODUCTION** , vol. 25, p. 728-733, ISSN: 0268-1161, doi: 10.1093/humrep/dep453 **IF: 4.99**
68. Padmanabhan S, Melander O, Johnson T, Di Blasio AM, Lee WK, **Gentilini D**, Hastie CE, Menni C, MONTI, MARIA CRISTINA, Delles C, Laing S, Corso B, Navis G, Kwakernaak AJ, van der Harst P, Bochud M, Maillard M, Burnier M, Hedner T, Kjeldsen S, Wahlstrand B, Sjögren M, Fava C, Montagnana M, Danese E, Torffvit O, Hedblad B, Snieder H, Connell JM, Brown M, ... (2010). Genome Wide Association Studies using extreme blood pressure distribution identify variants in UMOD associated with hypertension. **PLOS GENETICS** , vol. 6, ISSN: 1553-7390, doi: 10.1371/journal.pgen.1001177 **IF: 5.54**
69. Mariani M, Vigano P, **Gentilini D**, Camisa B, Caporizzo E, Di Lucia P, Monno A, Candiani M, Somigliana E, Panina-Bordignon P (2012). The selective vitamin D receptor agonist, elocalcitol, reduces endometriosis development in a mouse model by inhibiting peritoneal inflammation. **HUMAN REPRODUCTION** , vol. 27, p. 2010-2019, ISSN: 0268-1161, doi: 10.1093/humrep/des150 **IF: 4.99**
70. **Gentilini D**, Besana A, Vigano P, Dalino P, Vignali M, Melandri M, Busacca M, Di Blasio AM (2010). Endocannabinoid system regulates migration of endometrial stromal cells via cannabinoid receptor 1 through the activation of PI3K and ERK1/2 pathways. **FERTILITY AND STERILITY** , vol. 93, p. 2588-2593, ISSN: 0015-0282, doi: 10.1016/j.fertnstert.2010.02.006 **IF: 4.803**
71. Facchini G, Caraglia M, Morabito A, Marra M, Piccirillo MC, Bochicchio AM, Striano S, Marra L, Nasti G, Ferrari E, Leopardo D, Vitale G, **Gentilini D**, Tortoriello A, Catalano A, Budillon A, Perrone F, Iaffaioli RV (2010). Metronomic administration of zoledronic acid and taxotere combination in castration resistant prostate cancer patients Phase I ZANTE trial. **CANCER BIOLOGY & THERAPY** , vol. 10, p. 543-548, ISSN: 1538-4047, doi: 10.4161/cbt.10.6.12611 **IF: 3.373**
72. Cervio E, De Ferrari GM, Monti C, **Gentilini D**, Malpasso G, Striuli L, Ferrario M, Massa M, Di Blasio A, Zanchetti A, Schwartz PJ, Gnechi M (2010). Identification of Upregulated microRNAs In the Plasma of Patients with Acute Myocardial Infarction. **CIRCULATION** , vol. 122, ISSN: 0009-7322
73. BROGGINI, VALENTINA, F. D'Amelio, D. **Gentilini** , R. Elena, C. Grossi, C. Monti, B. Corso, A. Tincani, R. Roubey, P. Meroni, M. O. Borghi (2010). Association between clinical features and inflammatory gene SNPs in APS. **ANNALS OF THE RHEUMATIC DISEASES** , vol. 69, p. 74, ISSN: 0003-4967 **IF: 12.35**
74. Vitale G, **Gentilini D**, Abbruzzese A, Caraglia M (2009). Pyk2 and Cyr61 at the cross-road of cAMP-dependent signalling in invasiveness and neuroendocrine differentiation of prostate cancer. **CANCER BIOLOGY & THERAPY** , vol. 8, p. 239-240, ISSN: 1538-4047 **IF: 3.373**
75. Padmanabhan S, Delles C, Melander O, Menni C, Hastie C, Lee W, Di Blasio A, **Gentilini D**, Monti C, Zanchetti A, Dominiczak AF (2009). EUROPEAN GWAS STRATEGY USING EXTREMES OF BLOOD PRESSURE DISTRIBUTION. **JOURNAL OF HYPERTENSION** , vol. 27, p. S166, ISSN: 0263-6352 **IF: 4.092**
76. **Gentilini** , Davide, Vigano, Paola, Castaldi, Davide, Mari, Daniela, Busacca,

- Mauro, Vercellini, Paolo, Somigliana, Edgardo, di Blasio, Anna Maria (2009). Plasminogen activator inhibitor-1 4G/5G polymorphism and susceptibility to endometriosis in the Italian population. **EUROPEAN JOURNAL OF OBSTETRICS, GYNECOLOGY, AND REPRODUCTIVE BIOLOGY** , vol. 146, p. 219-221, ISSN: 0301-2115, doi: 10.1016/j.ejogrb.2009.06.008 **IF: 1.809**
77. **Gentilini D**, Vigano P, Vignali M, Busacca M, Di Blasio AM (2009). The Endocannabinoid System Controls Endometrial Plasticity. **REPRODUCTIVE SCIENCES** , vol. 16, p. 189A, ISSN: 1933-7191 **IF: 2.548**
78. **D. Gentilini** , P. Vigano, M. Vignali, M. Busacca, P. Panina-Bordignon, E. Caporizzo, A.M. Di Blasio (2010). Endometrial stromal progesterone receptor-A/progesterone receptor-B ratio: no difference between women with and without endometriosis. **FERTILITY AND STERILITY** , vol. 94, p. 1538-1540, ISSN: 0015-0282, doi: 10.1016/j.fertnstert.2009.12.018 **IF: 4.803**
79. **Gentilini D**, Vigano P, Somigliana E, Vicentini LM, Vignali M, Busacca M, Di Blasio AM (2010). Endometrial stromal cells from women with endometriosis reveal peculiar migratory behavior in response to ovarian steroids. **FERTILITY AND STERILITY** , vol. 93, p. 706-715, ISSN: 0015-0282, doi: 10.1016/j.fertnstert.2008.10.014 **IF: 4.803**
80. **Gentilini D**, Somigliana E, Vigano P, Vignali M, Busacca M, Di Blasio AM (2008). The vascular endothelial growth factor +405G > C polymorphism in endometriosis. **HUMAN REPRODUCTION**, vol. 23, p. 211-215, ISSN: 0268-1161, doi: 10.1093/humrep/dem341 **IF: 4.99**
81. **Gentilini D**, Vigano P, Carmignani L, Spinelli M, Busacca M, Di Blasio AM (2008). Progesterone receptor+331G/A polymorphism in endometriosis and deep-infiltrating endometriosis. **FERTILITY AND STERILITY** , vol. 90, p. 1243-1245, ISSN: 0015-0282, doi: 10.1016/j.fertnstert.2007.11.034 **IF: 4.803**
82. **Gentilini D**, Busacca M, Di Francesco S, Vignali M, Vigano P, Di Blasio AM (2007). PI3K/Akt and ERK1/2 signalling pathways are involved in endometrial cell migration induced by 17 beta-estradiol and growth factors. **MOLECULAR HUMAN REPRODUCTION** , vol. 13, p. 317-322, ISSN: 1360-9947, doi: 10.1093/molehr/gam001 **IF: 3.449**
83. Cattaneo MG, **Gentilini D**, Vicentini LM (2006). Deregulated human glioma cell motility: Inhibitory effect of somatostatin. **MOLECULAR AND CELLULAR ENDOCRINOLOGY** , vol. 256, p. 34-39, ISSN: 0303-7207, doi: 10.1016/j.mce.2006.05.006 **IF: 3.563**

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali

FIRMA